

Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mme TORDJMAN-LAVIER Yaelle

Elevage :

Demandeur : TORDJMAN-LAVIER Yaelle

Organisation : Amicale Européenne des Persans

Préleveur : ROSSI Valentina (22628)

Mme TORDJMAN-LAVIER Yaelle

741 ch de la Seyne à Bastian

83500 LA SEYNE SUR MER

Date de prélèvement : 17/10/2018

Date de réception : 22/10/2018

Nombre de prélèvements : 5

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 21/05/2018

Sexe : Femelle

Remarques : LOOF 2018.22134

Génotypage sanguin par ADN

Date d'exécution : 25/10/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC18545 Nom : ODE A LAMOUR D AKHAL MAINE Puce : 250268501493915	LOOF 2018.22134	nonb/b

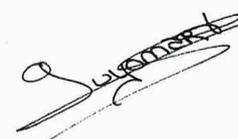
non-b/non-b: aucune allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB - non-b/b : 1 allèle b détectée, groupe sanguin A ou AB - b/b : 2 allèles b détectés, groupe sanguin B.

Dans l'état actuel des connaissances, ce test est valable chez de nombreuses races de chats mais peut présenter des exceptions parmi les races suivantes : Angora turc, Ragdoll, Bengal, Chaussie, Savannah, Sibérien, Sphynx et European Shorthair.

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 31/10/2018

Anne-Sophie Guyomard
Technicienne PCR



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mme TORDJMAN-LAVIER Yaelle

Elevage :

Demandeur : TORDJMAN-LAVIER Yaelle

Organisation : Amicale Européenne des Persans

Préleveur : ROSSI Valentina (22628)

Mme TORDJMAN-LAVIER Yaelle

741 ch de la Seyne à Bastian

83500 LA SEYNE SUR MER

Date de prélèvement : 17/10/2018

Date de réception : 22/10/2018

Nombre de prélèvements : 5

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 21/05/2018

Sexe : Femelle

Remarques : LOOF 2018.22134

Spinal Muscular Atrophy (SMA)

Date d'exécution : 25/10/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC18545 Nom : ODE A L AMOUR D AKHAL MAINE Puce : 250268501493915	LOOF 2018.22134	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation "140kb del (exons 4-6) "présente sur le gène LIX1 est recherchée.

Cette mutation est responsable de l'atrophie musculaire spinale (SMA) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

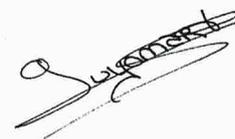
PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.

Fait à Loudéac, le 31/10/2018

Anne-Sophie Guyomard
Technicienne PCR



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mme TORDJMAN-LAVIER Yaelle
Elevage :
Demandeur : TORDJMAN-LAVIER Yaelle
Organisation : Amicale Européenne des Persans
Préleveur : ROSSI Valentina (22628)

Mme TORDJMAN-LAVIER Yaelle
 741 ch de la Seyne à Bastian
 83500 LA SEYNE SUR MER

Date de prélèvement : 17/10/2018

Date de réception : 22/10/2018

Nombre de prélèvements : 5

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 21/05/2018

Sexe : Femelle

Remarques : LOOF 2018.22134

Cardio-Myopathie Hypertrophique (HCM-MC)

Date d'exécution : 25/10/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC18545 Nom : ODE A LAMOUR D AKHAL MAINE Puce : 250268501493915	LOOF 2018.22134	NORMAL (+/+)

La présence de la mutation A31P présente sur le gène MyBPC3 est recherchée.

Cette mutation est responsable de la Myocardiopathie hypertrophique (HCM) chez les chats de race Maine Coon.

Cette mutation se transmet de manière autosomique dominante ; Les individus ayant reçu un allèle muté pourront développer la maladie plus ou moins tard et avec une intensité différente. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

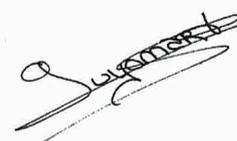
PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
 La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé
 photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 31/10/2018

Anne-Sophie Guyomard
 Technicienne PCR



Certificat d'Analyse(s)

Propriétaire : Mme TORDJMAN-LAVIER Yaelle
Élevage :
Demandeur : TORDJMAN-LAVIER Yaelle
Organisation : Amicale Européenne des Persans
Préleveur : ROSSI Valentina (22628)

Mme TORDJMAN-LAVIER Yaelle
 741 ch de la Seyne à Bastian
 83500 LA SEYNE SUR MER

Date de prélèvement : 17/10/2018

Date de réception : 22/10/2018

Nombre de prélèvements : 5

Nature des prélèvements : Buccal (brossette)

Espèce : CHAT

Race : MCO - Maine Coon

Date de naissance : 21/05/2018

Sexe : Femelle

Remarques : LOOF 2018.22134

Pyruvate Kinase Deficiency (Pkdef)

Date d'exécution : 25/10/2018

Identification	Autres informations	Résultat
1 Code ADN : FC18545 Nom : ODE A LAMOUR D AKHAL MAINE Puce : 250268501493915	LOOF 2018.22134	PORTEUR (+/-)

La présence de la mutation *c.693+304G>A* présente sur le gène *PKLR* est recherchée.

Cette mutation est responsable du Déficit en pyruvate kinase (PKDef) chez les chats de races : Abyssin/Somali, Bengal, Mau Egyptien, LaPerm, Maine Coon, Norvégien, Savannah, Sibérien, Singapura, Ocicat, Domestic longhair et shorthair.

Cette mutation se transmet de manière autosomique récessive ; Seuls les individus ayant reçu 2 allèles mutés (génotype -/-) sont considérés comme atteints par la maladie. Les individus ayant reçu un seul allèle muté (génotype +/-) sont considérés comme porteur de la maladie - ils ne développeront pas la maladie mais ont 50% de chance de transmettre héréditairement la mutation à leurs descendants. Les individus ne possédant pas d'allèles mutés (génotype +/+) sont considérés comme sains.

NORMAL (+/+) : animal homozygote normal, non porteur de la mutation

PORTEUR (+/-) : animal hétérozygote porteur de la mutation

ATTEINT (-/-) : animal homozygote atteint

*Ce compte-rendu ne concerne que les prélèvements soumis à analyse.
 La reproduction de ce document n'est autorisée que sous la forme de fac-similé photographique intégral.*

Fait à Loudéac, le 31/10/2018

Anne-Sophie Guyomard
 Technicienne PCR

